

LAMPIRAN

@Hak cipta milik IPB University

IPB University



- Hak Cipta Dilindungi Undang-undang
1. Dilarang mengutip sebagian atau seluruh karya tulis ini tanpa mencantumkan dan menyebutkan sumber :
 - a. Pengutipan hanya untuk kepentingan pendidikan, penelitian, penulisan karya ilmiah, penyusunan laporan, penulisan kritik atau tinjauan suatu masalah
 - b. Pengutipan tidak merugikan kepentingan yang wajar IPB University.
 2. Dilarang mengumumkan dan memperbanyak sebagian atau seluruh karya tulis ini dalam bentuk apapun tanpa izin IPB University.

Lampiran 1 Sekuen gen MSTN berdasarkan *GenBank* dengan kode akses AY794986.1

Bos indicus myostatin gene, complete cds

GenBank: AY794986.1

[FASTA](#) [Graphics](#)

Go to:

LOCUS AY794986 6686 bp DNA linear MAM 24-JAN-2007
 DEFINITION Bos indicus myostatin gene, complete cds.
 ACCESSION AY794986
 VERSION AY794986.1
 KEYWORDS .
 SOURCE Bos indicus (Bos taurus indicus)
 ORGANISM [Bos indicus](#)
 Eukaryota; Metazoa; Chordata; Craniata; Vertebrata; Euteleostomi;
 Mammalia; Eutheria; Laurasiatheria; Artiodactyla; Ruminantia;
 Pecora; Bovidae; Bovinae; Bos.
 REFERENCE 1 (bases 1 to 6686)
 AUTHORS Tantia,M.S., Vijh,R.K., Kumar,S.T., Mishra,B. and Reecy,J.M.
 TITLE Comparative analysis of GDF 8 (myostatin) in Bos indicus and Bos
 taurus
 JOURNAL DNA Seq. 17 (4), 311-313 (2006)
 PUBMED [17312952](#)
 REFERENCE 2 (bases 1 to 6686)
 AUTHORS Tantia,M.S., Mishra,B., Bharani Kumar,S.T. and Vijh,R.K.
 TITLE Direct Submission
 JOURNAL Submitted (26-OCT-2004) NATP, NBAGR, P B No. 129, Karnal, Haryana
 132001, India
 FEATURES
 Location/Qualifiers
 source 1..6686
 /organism="Bos indicus"
 /mol_type="genomic DNA"
 /db_xref="taxon:9915"
 join(<134..506,2371..2744,4778..5158)
 /product="myostatin"
 mRNA
 join(134..506,2371..2744,4778..5158)
 CDS
 join(134..506,2371..2744,4778..5158)
 /note="similar to the product of GenBank Accession Number
 AB076403"
 /codon_start=1
 /product="myostatin"
 /protein_id="AAV63982.1"
 /translation="MQKLIQISVYIYLFMLIVAGPVDLNENSEQKENVEKEGLCNACLN
 RENTTSSRLEAIKIQILSKLRLETAPNISKDAIRQLLPKAPLLEIDQFDVQRDASS
 DGSLLEDDYHARTETVITMPTESDLLTQVEGPKCCFFKFSKIQYNLVAQLWIYL
 RPVKTPATVVFQILRLIKPMKDGTRYTGIRSLKLDHNPGTGINQSIDVKTVLQNLKQ
 PESNLGIEIKALDENGHDLAVTFPEPEGDGLTPFLEVKVTDPKRSRRDFGLDCDEHS
 TESRCCRYPLTVDFEAFGWDWIIAPKRYKANYCSGECEVFVLFQKYPHTLHVQANPRG
 SAGPCCTPTKMSPINMLYFNGEGQIIYGKIPAMVWDRCCGS"

ORIGIN

```

1 agattcactg gtgtggcaag ttgtctctca gactggcag gcattaacgt ttgcttggc
61 gttactcaaa agcaaaaaga aagtaaaagg aagaagtaag aacaaggaa aagattgtat
121 tgattttaa accatgcaaa aactgcaaat ctctgtttat atttacctat ttatgctgat
181 tgttctggc ccagtggatc tgaatgagaa cagcagcagc aaggaaaatg tggaaaaaga
241 ggggctgtgt aatgcatggt tgtggaggga aaactactaca tcctcaagac tagaagccat
301 aaaaatccaa atcctcagta aacttcgctt ggaacagct cctaacaatca gcaaatgac
361 tatcagacaa cttttgccca aggctcctcc actcctggag ctgattgatc agttcagatg
421 ccagagagat gccagcagtg acggctcctt ggaagcagat gactaccacg ccaggacgga
481 aacggctcatt accatgcccc cggagtgtga gtagctctgc tgggcagag caacgactct
541 gctgactgct gttctagtgt tcatgagaaa ccgatctatt ttcaggctct tttacaagc
601 tgctggcttg tatgtaagga ggggggaaa gagctttttt caagatttca tgagaaatag

```